

Elenco delle alterazioni genetiche ricercate nel Settore di Diagnostica Molecolare, SSD di Anatomia e Istologia Patologica, IOR

tumore	alterazione genetica	geni coinvolti	frequenza
Sarcoma di Ewing	t(11;22) (q24;q12)	EWS-FLI1	90%
	t(21;22) (q22;q12)	EWS-ERG	10%
	t(2;22) (q33;q12)	EWS-FEV	rara
Sarcoma Sinoviale	t(X;18) (p11;q11)	SYT-SSX (ssx1 e ssx2)	98%
Liposarcoma Mixoide	t(12;16) (q13;p11)	TLS(FUS)-CHOP	95%
	t(12;22) (q13;q12)	EWS-CHOP	1-5%
Liposarcoma ben differenziato Liposarcoma dedifferenziato	Amplificazione	MDM2	99%
Condrosarcoma Mixoide Extrascheletrico	t(9;22) (q22;q12)	EWS-NR4A3 (CHN, TEC)	72%
	t(9;17) (q22;q11)	TAF2N-NR4A3 (CHN, TEC)	16%
Rabdomiosarcoma Alveolare	t(2;13) (q35;q14)	PAX3-FKHR	65%
	t(1;13) (p36;q14)	PAX7-FKHR	15%
Tumore Desmoplastico a piccole cellule rotonde	t(11;22) (p13;q12)	EWS-WT1	Frequente
Sarcoma Alveolare delle Parti Molli	t(X;17) (p11;q25)	ASPL-TFE3	Frequente
Sarcoma a Cellule Chiare	t(12;22) (q13;q12)	EWSR1-ATF1	Frequente
Fibrosarcoma Congenito Infantile	t(12;15) (p13;q25)	ETV6-NTRK3	Frequente
Tumore Desmoplastico a piccole cellule rotonde	t(11;22) (p13;q12)	EWS-WT1	Frequente
Cisti Aneurismatica	t(16;17) (q22;p13)	CDH11-USP6	50%